

遺伝子発現解析

RNA-Seq (Poly A による回収)



お問い合わせはWebから!
<https://apro-s.com/>



RNA-Seq (polyAによる回収)

項目名	キャンペーン価格(税別)
ライブラリ調製・シーケンス	¥ 33,500
データ解析 マッピング, 発現値算出, 発現変動比較解析	ヒト・マウス ¥ 15,500 その他生物種 ¥ 40,000

- ヒト・マウスのデータ解析において、5 比較以上の解析を希望される場合は追加費用が必要になります。
- 納品はウェブからのダウンロードです。ハードディスクでの納品を希望される場合には、別途 ¥ 30,000 (税別) が必要です。
- ライブラリ調製、シーケンス条件等、その他の仕様での対応も可能です。

▶ サンプル量条件

- ・ total RNA (1 µg 以上)

▶ ライブラリ調製に使用するキット

- ・ TruSeq Stranded mRNA Library Prep

▶ シーケンス条件

- ・ 使用装置 : NovaSeq 6000 (illumina)
- ・ 4 Gb/サンプル, 100 bp, paired end

ゲノム解析

DNA-Seq (NovaSeq6000)



お問い合わせはWebから!
<https://apro-s.com/>



DNA-Seq (NovaSeq6000)

項目名	キャンペーン価格(税別)	
ライブラリ調製 シーケンス	4Gb/サンプル	¥ 45,000
	45Gb/サンプル	¥ 86,500
	90Gb/サンプル	¥ 122,500
	135Gb/サンプル	¥ 180,000
データ解析	ヒト (SNPs, small In/Del, CNV, SV)	¥ 20,000
	ヒト以外 (SNPs, small In/Del)	¥ 40,000
データ納品用ハードディスク	¥ 30,000	

▶ サンプル量条件

- ・ ゲノムDNA (1 µg 以上)

▶ ライブラリ調製に使用するキット

- ・ TruSeq DNA PCR-free Library
※ TruSeq DNA nano Kitの選択も可能です

▶ シーケンス条件

- ・ 使用装置 : NovaSeq6000 (Illumina)
- ・ 150bp, paired end

エクソーム解析



お問い合わせはWebから!
<https://apro-s.com/>



エクソーム解析

項目名	キャンペーン価格(税別)	
ライブラリ調製・シーケンス	ヒト	¥ 43,500
	マウス	¥ 48,000
データ解析 (SNPs, small In/Del)	¥ 15,000	

- 納品はウェブからのダウンロードです。ハードディスクでの納品を希望される場合には、別途 ¥ 30,000 (税別) が必要です。
- ライブラリ調製、シーケンス条件等、その他の仕様での対応も可能です。

▶ サンプル量条件

- ・ ゲノムDNA (1 µg 以上)

▶ ライブラリ調製に使用するキット

- ・ ヒト : Agilent SureSelect Human v6 (UTR 無し)
- ・ マウス : Agilent SureSelect Mouse All Exon Kit

※ 上記以外のキットの使用を希望される場合には、ご相談ください。

▶ シーケンス条件

- ・ 使用装置 : NovaSeq6000 (Illumina)
- ・ 7 Gb/サンプル, 150bp, paired end



専用お問合せフォームからご検討内容をお知らせください。
営業担当または分析担当者より連絡させていただきます。

Library-Seq

Library-Seq

新機種登場!
「NovaSeq X」



お問い合わせはWebから!
<https://apro-s.com/>



Library-Seq

項目名	キャンペーン価格(税別)
シーケンス (1レーン)	¥ 370,000
シーケンス (1/2レーン)	¥ 204,000
シーケンス (1/4レーン)	¥ 112,000
ハードディスク納品	¥ 30,000

- お客様が調製されたライブラリのご提供を受けて、シーケンスのみを実施します。

▶ サンプル量条件

- ・調製済みライブラリ (10 nM 以上、20 microL 以上)
※複数のサンプルをまとめてシーケンスする場合、それぞれ調製したライブラリを1本のチューブにまとめた状態(等モルで混合)でお送り下さい

▶ シーケンス条件

- ・使用装置 : NovaSeq X plus (illumina)
- ・取得データ量の目安 360 Gb/レーン, 150bp, paired end
※お客様が調整されたライブラリをお預かりしますので、データ量・質の保証は致しかねます
- ※相乗りプラン (1/2レーン、1/4レーン) には、別途、注意事項がございますので、詳細はお問い合わせください

ロングリードシーケンス

PacBio® シーケンス解析

新機種登場!
「Revio」



お問い合わせはWebから!
<https://apro-s.com/>



PacBio® Revio WGS解析(HiFi リード)

項目名	キャンペーン価格(税別)
ライブラリ調製	¥ 80,000
シーケンス	¥ 530,000
ハードディスク納品	¥ 30,000
データ解析 ヒト (SNPs, small In/Del, CNV, SV)	¥ 40,000

- SMRTbell prep kit3.0
- 新規ゲノム構築が目的の場合、*de novo* Assembly解析, Annotation解析の対応が可能です。推定ゲノムサイズにより費用が異なりますので、別途ご相談ください。

▶ サンプル量条件

- ・ゲノムDNA (7.1 µg以上、Average Size 20,000bp以上)
※Average SizeはFemto Pulse System(Agilent社)を使用し、DNA断片を測定した際の平均の長さとなります
- ※電気泳動で smear なし

▶ シーケンス条件

- ・使用装置 : Revio (PacBio)
- ・WGSの場合の目安データ量: 60~90Gb程度 (HiFi read)/cell
※データ量・質の保証は致しかねます

PacBio® Sequel II e (HiFiリード) 相乗りプラン

項目名	キャンペーン価格(税別)
ライブラリ調製	¥ 60,000
シーケンス (100Mb程度/ sample)	¥ 40,000
シーケンス (200Mb程度/ sample)	¥ 54,000

- SMRTbell prep kit3.0
- 上記にはデータ解析(アセンブル)の費用は含まれません。別途費用が必要です。
- Hi-Fiリードの場合、*de novo* Assemblyを行う際の取得データ量はゲノムサイズの20倍以上が推奨されます。ゲノムサイズが5Mb未満の微生物の場合は100Mbプラン、10Mb以下の微生物の場合は200Mbプランをご依頼ください。

▶ サンプル量条件

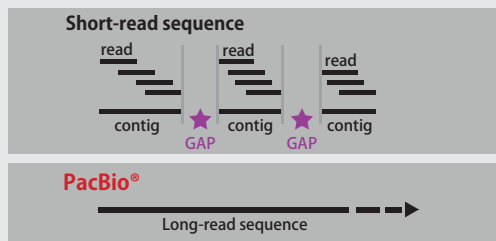
- ・ゲノムDNA (3.1 µg以上、Average Size 15,000bp以上)
※Average SizeはFemto Pulse System(Agilent社)を使用し、DNA断片を測定した際の平均の長さとなります
- ※電気泳動で smear なし

▶ シーケンス条件

- ・使用装置 : Sequel II e (PacBio)
- ※データ量・質の保証は致しかねます

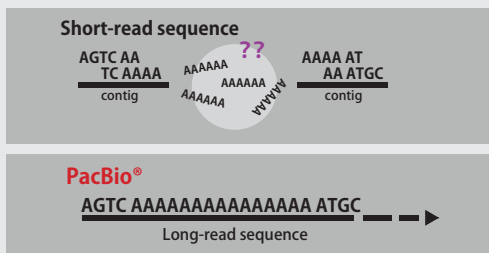
完全長ゲノムDNAの作成

ショートリードから作成したコンティグをつなげる従来法では埋まりきらないGAPが発生してしまいが、PacBio®解析では起こりにくい。



リピート配列のシーケンス

ショートリードだと長いリピート配列を繋げられないが、リードサイズが大きいPacBio®解析ではリピートエリア全体の配列決定が可能。



株式会社ファーマフーズ アプロサイエンスグループ

■ URL : <https://apro-s.com/>

■ TEL : 088-678-6372

■ Mail : bio@apro-s.com

〒770-0865 徳島県徳島市南末広町4-53 エコービル4階

《本社》 〒615-8245 京都府京都市西京区御陵大原1-49

販売店